



6/38

1 CGAGGCCACGGCTTATGCAAGCAAAGATCTGGAGGCAGTTACGGGTCTGTGTCCAGTGT
61 AGATGAACTCATGACTGTACTCTACCCAGAATATTGGAAAATGTACAAGTGTCAGCTMAG
M T V L Y P E Y W K M Y K C Q L R
121 GAAAGGGAGGCTGGCACACATAACAGAGAACATAGGCCAACCTCAAGGACAGAACAGAC
K G W Q H N R E Q A N L N S R T E E T
181 TATAAAATTGCTGCAGCACATTATAACAGAGATCTTGAAAGTATTGATAATGAGTG
I K F A A H Y N T E I L K S I D N E W
241 GAGAAAGACTCAATGCATGCCACGGGAGGTGTGTATAGATGTGGGAAGGGAGTTGGAGT
R K T Q C M P R E V C I D V G K E F G V
301 CGCGACAAACACCTTCTTAAACCTCCATGTGTGTCCCGTCTACAGATGTGGGGTTGCTG
A T N T F F K P P C V S V Y R C G G C C

FIG. 2A



9/38

1081	TCGTTGTCCCTCATATTGGCAAGACCAATGAGCTAACAGATTGTACTGTTTCCA R C V P S Y W Q R P Q M S
1141	GTTCATCGATTCTATTGAAACTGTGTTGCCACAGTAGAACAGTGTCTGTGAACAGA
1201	GAGACCCTTGTTGGTCCATGCTAACAAAGACAAAGACTCTGTCTTCTGAACCATGTGGA
1261	TAACTTACAGAAATGGACTGGAGCTCATCTGCAAAAGGCCCTCTGTAAAGACTGGTTT
1321	CTGCCAATGACCAAACAGCCAAGATTCCCTCTTGATTCTTTAAAGAAATGACTATA
1381	TAATTATTCCACTAAATATTGTTCTGCATTCAATTGTTATAGCAACAAATTGGT
1441	AAAACCTCACTGTGATCAAATATTTTTATATCATGCAAAATATGTTAAATAATGAAA
1501	TTGTATTATAAAAAAA

FIG. 2D